Lublin, dnia 05.06.2019 r.

Prof. dr hab. inż. Marek Babicz
Uniwersytet Przyrodniczy w Lublinie
Instytut Hodowli Zwierząt i Ochrony Bioróżnorodności

Ocena

osiągnięcia naukowego, aktywności naukowej, oraz dydaktycznej, organizacyjnej i popularyzatorskiej w postępowaniu habilitacyjnym dr inż. Daniela Polasika adiunkta w Katedrze Genetyki i Ogólnej Hodowli Zwierząt na Wydziale Biotechnologii i Hodowli Zwierząt Zachodniopomorskiego Uniwersytetu Technologicznego w Szczecinie

Dane biograficzne i przebieg pracy zawodowej Habilitanta

Dr inż. Daniel Polasik jest absolwentem Wydziału Biotechnologii i Hodowli Zwierząt Akademii Rolniczej w Szczecinie. Dyplom magistra inżyniera w zakresie biotechnologia w produkcji roślinnej otrzymał w 2002 r. po przedstawieniu i obronie pracy magisterskiej pt. „Zagęszczanie mapy genetycznej żyta (*Secale cereale*) z użyciem markerów RAPD", której promotorem był prof. dr hab. Piotr Masojć. W roku 2007 uzyskał stopień doktora nauk biologicznych w dyscyplinie biologia, nadany przez Wydział Biologii Uniwersytetu Warmińsko-Mazurskiego w Olsztynie, na podstawie rozprawy „Polimorfizm 10 eksonu genu receptora hormonu wzrostu (*GHR*) szynszyli (*Chinchilla lanigera*)", którą wykonał pod kierunkiem prof. dr hab. Marka Kmiecia.

Pracę zawodową rozpoczął w 2008 r. na stanowisku asystenta w Katedrze Genetyki i Ogólnej Hodowli Zwierząt na Wydziale Biotechnologii i Hodowli Zwierząt w Akademii Rolniczej w Szczecinie. W tym też roku awansował na stanowisko adiunkta i pozostaje zatrudniony w Katedrze Genetyki i Ogólnej Hodowli Zwierząt Zachodniopomorskiego Uniwersytetu Technologicznego w Szczecinie do dnia dzisiejszego. Od roku 2010 pełni funkcję kierownika Pracowni Genetycznych Podstaw Biotechnologii.

W trakcie zatrudnienia dr inż. Daniel Polasik podnosił swoje kompetencje zawodowe odbywając staże naukowe w krajowych i zagranicznych, znaczących jednostkach naukowo-badawczych, takich jak: Instytut Zootechniki (Laboratorium Cytogenetyczne Działu Immuno- i Cytogenetyki), Balice, Polska; Wageningen University (Animal Breeding and Genetics Group), Wageningen, Holandia; Institute of Animal Science (Department of Molecular Genetics), Praga, Czechy; Agrarian University - Plovdiv (Faculty of Agronomy), Płowdiw, Bułgaria. Ponadto odbył szereg wyjazdów szkoleniowych w ramach programu LLP Erasmus/ Erasmus+: Universita Autonoma de Barcelona, Hiszpania; Agrarian University Plovdiv, Bułgaria; University College Dublin, Irlandia; University of Debrecen, Węgry; CEU San Pablo, Hiszpania; Valencia Universidad, Hiszpania; Aristotle University of Thessaloniki, Grecja.
W latach 2004-2017 dr inż. Daniel Polasik poszerzał swoje kompetencje zawodowe uczestnicząc w dziewięciu krajowych warsztatach, kursach, szkoleniach m.in. z zakresu technik Real-time PCR, analizy ekspresji genów, komercjalizacji prac badawczo-rozwojowych i wprowadzania nowych technologii.

Uzyskane doświadczenia sukcesywnie wdraża w działania naukowo-badawcze, dydaktyczne i organizacyjne.

Ocena osiągnięcia naukowego w postaci jednotematycznego cyklu prac naukowych zgłoszonych w postępowaniu habilitacyjnym dr inż. Daniela Polasika

Ocena ogólna

Osiągnięciem stanowiącym podstawę do ubiegania się o stopień naukowy doktora habilitowanego jest jednotematyczny cykl prac naukowych pod wspólnym tytułem „Analiza zależności pomiędzy polimorfizmem wybranych genów a cechami tucznymi, rzeźnymi i jakością mięsa świń". Tematyczne opracowanie Habilitant przygotował na podstawie czterech oryginalnych prac twórczych opublikowanych w latach 2018-2019:

1. **Polasik D.**, Tyra M., Szyndler - Nędza M., Żak G., Lambert B., Terman A. (2018) Association of *miR-208b* polymorphism with meat quality traits and texture parameters in pigs. ***Czech Journal of Animal Science*** 63(11): 435-442.
2. **Polasik D.**, Tyra M., Żak G., Terman A. (2018) An analysis of *MYH7* SNP (g.17104G>A) in relation to growth and carcass traits in pigs. ***Journal of Animal and Feed Sciences*** 27(4): 335-340.
3. **Polasik D.**, Tyra M., Szyndler - Nędza M., Korpal A., Woźniak-Męch K., Terman A. (2018) Relationship between *VRTN* gene polymorphism and growth, slaughter and meat quality traits in three polish pig breeds. ***Ciência e Agrotecnologia*** 42(5): 540-549.
4. **Polasik D.**, Kamionka E.M., Tyra M., Żak G., Terman A. (2019) Analysis of *FTO* and *PLIN2* polymorphisms in relation to carcass and meat quality traits in pigs. ***Annals of Animal Science*** 19(1): 71-83.

Wymienione prace zamieszczono w czasopismach indeksowanych w bazie Journal Citation Reports (JCR) o wyliczonym współczynniku wpływu (IF), którego wartość zawierała się w przedziale od 0,672 (praca 3) do 1,018 (praca 4). Sumaryczna punktacja, zgodna z wytycznymi MNiSW, wynosiła dla czterech prac – 100 pkt., natomiast IF równał się wartości 3,545. We wszystkich publikacjach Habilitant jest pierwszym autorem, a deklarowany wkład w opracowanie każdej z nich jest równy lub większy niż 70%. Na podkreślenie zasługuje fakt, że do wszystkich publikacji Habilitant formułował hipotezę badawczą, oraz miał wiodący udział w planowaniu eksperymentu, analizach laboratoryjnych, oraz analizie uzyskanych wyników. Należy również zwrócić uwagę, że prace stanowiące jednotematyczny cykl publikacji powstały w latach 2018 (3 prace) i 2019 (1 praca), zawierają więc najbardziej aktualne wyniki badań opartych o nowoczesne techniki badawcze i obejmujące materiał doświadczalny wytypowany z populacji świń obecnie użytkowanych w Polsce, co podnosi wartość opracowań naukowych.

Ocena merytoryczna

Podstawowym działaniem zmierzającym do osiągnięcia postępu hodowlanego u świń jest selekcja. Obecnie w tego typu pracach wiele światowych firm komercyjnych coraz częściej posługuje się markerami genetycznymi cech użytkowych świń, których pula w wyniku poszukiwań naukowych sukcesywnie się powiększa.

Badania przedstawione w cyklu publikacji przez dra Daniela Polasika doskonale wpisują się w nurt aktualnych, światowych działań naukowych z zakresu poszukiwania istotnych dla praktyki produkcyjnej markerów genetycznych świń. Dotyczą określenia asocjacji polimorfizmów

genów kandydujących z cechami użytkowości tucznej, rzeźnej i jakości mięsa świń ras użytkowanych w Polsce: polskiej białej zwisłouchej, wielkiej białej polskiej, puławskiej, pietrain, duroc, hampshire.

Całość tytułu opracowania bardzo dobrze obrazuje główny cel badań, jakkolwiek uważam, że skoro Habilitant analizował konkretne 4 geny należałoby je podać w tytule, ponieważ bardzo duża liczba markerów cech tucznych i rzeźnych nasuwa pytanie: czym podyktowany był ich wybór?

Przedstawione cztery prace charakteryzują się spójnością w odniesieniu do głównego celu badań, jakim była analiza polimorfizmów genów *miR-208b, VRTN, FTO, PLIN2* w odniesieniu do wartości tucznej, cech tuszy i jakości mięsa tuczników. Zarówno cel główny jak też cele szczegółowe (detekcja polimorfizmu genów, szacowanie parametrów użytkowych świń) zostały prawidłowo sformułowane w aspekcie wkładu naukowego Habilitanta, jaki zamierzał wnieść w rozwój wiedzy związanej z dyscypliną, którą reprezentuje.

W strukturze osiągnięcia naukowego można wyróżnić dwa podstawowe kierunki badań:

- detekcja polimorfizmu genów,
- analiza asocjacji polimorfizmu z przyrostami masy ciała tuczników, oraz wskaźnikami jakości tuszy i mięsa.

Odnośnie pierwszego zakresu badań Habilitant uzyskał bardzo interesujące wyniki, szczególnie przydatne do charakterystyki struktury genetycznej ras hodowanych w Polsce, a zwłaszcza ras krajowych: wbp, pbz, puławskiej. W tym aspekcie ustalił, że allel *A* genu *miR-208b* występował z najwyższą frekwencją u ras puławska i pietrain, natomiast *G* u ras pbz i wbp. Najczęstszym genotypem w badanej populacji świń był układ alleli *GG*, z wyłączeniem pietrain, dla której charakterystyczny był genotyp *AG*. W przypadku polimorfizmu genu *VRTN* wykazano, że u świń ras wbp i pbz dominował allel *Q*, u rasy puławskiej allel *Wt*. W odniesieniu do locus *FTO* stwierdzono, że najczęściej w badanej populacji występował genotyp *CC*, a szczególnie wysoką jego frekwencję odnotowano dla ras duroc i hampsihre. Biorąc pod uwagę frekwencję genotypów i alleli genu *PLIN2*, wykazano, że genotyp *AA* występował najczęściej u rasy duroc, z kolei u rasy puławskiej stwierdzono jego niską frekwencję. W przypadku pozostałych ras dominował genotyp *GG*.

Kolejny obszar badań, jakie Habilitant przedstawił w przedmiotowym cyklu prac, dotyczył określenia zależności pomiędzy oznaczonymi genotypami a cechami użytkowymi. Analizując asocjacje polimorfizmu genu *miR-208b* z cechami mięsa udowodniono, że genotyp *AA* powiązany był z najwyższą zawartością tłuszczu śródmięśniowego. Najwyższe wartości jasności (L*), oraz wodochłonności były charakterystyczne dla genotypu *GG*. W przypadku tego genotypu odnotowano także najwyższe wartości siły cięcia i żujności dla polędwicy. Z kolei genotyp *AA* wiązał się z większą jędrnością, twardością i żujnością świeżej, oraz gotowanej szynki ($p \leq 0,05$). Habilitant uzyskał również interesujące wyniki z zakresu analizy polimorfizmu genu *mir-208b* w odniesieniu do rodzimej rasy puławskiej objętej hodowlą zachowawczą wykazując, że osobniki homozygotyczne *AA* szybciej rosły, charakteryzowały się grubszą słoniną i wyższą wydajnością rzeźną. Natomiast te o genotypie *BB* cechowały się większą powierzchnią „oka" polędwicy i procentową zawartością mięsa w tuszy.

W przypadku kolejnego genu *VRTN*, na podstawie przeprowadzonych badań można było wskazać jego warianty najbardziej predystynowane do osiągnięcia wysokiego poziomu

cech tucznych, rzeźnych i jakości mięsa. U ras wbp i pbz najwyższe przyrosty dobowe odnotowano dla genotypu *QQ*, natomiast w przypadku rasy puławskiej dla genotypu *WtWt*. W odniesieniu do cech jakości tuszy zaobserwowano, że osobniki rasy wbp o genotypie *QQ* charakteryzowały się istotnie niższą wydajnością rzeźną. Biorąc pod uwagę średnią grubość słoniny z 5 pomiarów, uzyskane wyniki nie były jednoznaczne, gdyż u ras wbp i pbz jej wartości były najwyższe dla genotypu *WtWt*, z kolei u puławskiej dla *QQ*. U rasy puławskiej genotyp *WtWt* był związany również z masą mięsa wyrębów podstawowych. Uwzględniając cechy jakości mięsa, wykazano asocjację wariantów genu *VRTN* z IMF, barwą mięsa i pH_{24}, wskazując na korzystny w tym zakresie genotyp *WtWt*. Wykazano również, że osobniki o genotypie *QQ* cechowały się lepszymi cechami jakości sensorycznej: żujnością, jędrnością i twardością.

Zgodnie z wynikami badań prowadzonych w światowych ośrodkach naukowych gen *FTO* może być ważnym markerem otłuszczenia świń. Dr inż. Daniel Polasik potwierdził tę hipotezę, wykazując że poszczególne genotypy *FTO* były skorelowane ze średnią grubością słoniny z 5 pomiarów. Największą wartością tego parametru cechowały się zwierzęta o genotypie *CC*. Natomiast wysoka zawartość IMF była charakterystyczna dla osobników o genotypie *GG*.

Ostatni z analizowanych przez Habilitanta genów – *PLIN2*, u wszystkich ras świń powiązany był z dwoma cechami, tj. zawartością tłuszczu śródmięśniowego i wodochłonnością. Najkorzystniejsze wartości tych parametrów zaobserwowano dla genotypu *GG*. Jest to ważna informacja, szczególnie przydatna w selekcji ukierunkowanej na zwiększenie zawartości tłuszczu śródmięśniowego w mięsie, w oparciu o genotyp *GG*. Wynika to z faktu, że IMF i WHC nie są ze sobą skorelowane, stąd wybierając osobniki GG można uzyskać wzrost udziału IMF w mięsie, przy zachowaniu optymalnego wskaźnika WHC.

Wyniki badań przedstawionych w ocenianym cyklu publikacji są ważną częścią składową badań genetycznych krajowych ras świń. Z jednej strony stanowią istotny wkład Habilitanta w charakterystykę struktury genetycznej świń, a z drugiej mogą być wykorzystane w procesie doskonalenia cech użytkowych świń w selekcji MAS. Oczywiście część wyników wymaga potwierdzenia lub weryfikacji, ze względu na ich zmienność. Jednakże uwzględniając dotychczasową aktywność naukowo-badawczą dra Daniela Polasika, można być przekonanym o wykonaniu tego typu analiz w najbliższym czasie.

Po zapoznaniu się z opracowaniem stwierdzam, że przedstawione do oceny osiągnięcie naukowe, stanowiące cykl 4 publikacji pod wspólnym tytułem „Analiza zależności pomiędzy polimorfizmem wybranych genów a cechami tucznymi, rzeźnymi i jakością mięsa świń" wskazuje na wysokie umiejętności badawcze i znajomość warsztatu naukowego dra Daniela Polasika, co potwierdza jego dojrzałość do samodzielnej pracy naukowej.

Ocena dorobku naukowego

Ocena ogólna

Dokumentacja dorobku naukowego dra Daniela Polasika (z wyłączeniem 4 prac wchodzących w skład monotematycznego cyklu publikacji) obejmuje łącznie 76 pozycji, przy czym 29 stanowią oryginalne prace twórcze, a 15 z nich opublikowano w renomowanych czasopismach naukowych z bazy JCR, w tym m.in. w Archives of Animal Breeding (4), Animal

Science Papers and Reports (2), Tierarztliche Umschau (2), Italian Journal of Animal Science, Indian Journal of Animal Sciences, Journal of Animal and Veterinary Advances, Turkish Journal of Veterinary and Animal Sciences, Canadian Journal of Animal Science, Journal of Animal and Plant Sciences, Agricultural And Food Science. Ponadto Habilitant publikował prace naukowe w czasopismach o zasięgu krajowym m.in. takich jak: Polish Journal of Food and Nutrition Sciences, Electronic Journal of Polish Agricultural Universities, Acta Scientarum Polonorum, seria Zootechnica, Annals of Parasitology, Annals of Warsaw University of Life Sciences - SGGW Animal Science. Potwierdzeniem zaangażowania naukowego jest jego widoczna rola w powstawaniu prac, gdyż na 29 oryginalne opracowania (z wyłączeniem 4 prac wchodzących w skład monotematycznego cyklu publikacji) w 12 jest pierwszym autorem. W dorobku dra Daniela Polasika znajdują się 43 doniesienia i komunikaty prezentowane na konferencjach krajowych i międzynarodowych. Ważnym osiągnięciem naukowym jest zamieszczenie w bazie GeneBank 6 sekwencji badanych przez Habilitanta genów.

Jak wynika z przedstawionych przez Habilitanta danych, jego aktywność naukowa wyraźnie wzrosła po uzyskaniu stopnia doktora, czego wyrazem jest współautorstwo 22 oryginalnych prac twórczych opublikowanych po doktoracie i przesłanie do bazy GeneBank 5 sekwencji genów, co świadczy o rozwoju naukowym dra Daniela Polasika.

Zgodnie z wykazem czasopism naukowych MNiSW dorobek naukowy Habilitanta wynosi 446 pkt. (494 pkt. łącznie z pracami mającymi formę recenzowanych rozpraw naukowych opublikowanych w suplementach i wydaniach specjalnych). Sumaryczny IF według bazy JCR wyniósł 8,741, natomiast sumaryczny IF włączając recenzowane publikacje w wydaniach specjalnych lub suplementach to 10,577. Liczba cytowań (bez autocytowań) według bazy ICI Web of Science to 12, a indeks Hirscha – 2.

Dorobek naukowy Habilitanta mieści się w dziedzinie zootechnika. Prace naukowe z zakresu nauk o zwierzętach są obecnie stosunkowo nisko punktowane, również w odniesieniu do IF, co bezpośrednio przekłada się na liczbę ich cytowań. Ponadto wysoko punktowane opracowania naukowe Habilitant opublikował w ostatnich latach, należy zatem oczekiwać, że ich cytowania w najbliższym okresie wzrosną. Stąd przedstawione osiągnięcia Habilitanta z tego zakresu należy uznać za zadowalające i dobrze rokujące na przyszłość.

Działalność naukowo-badawcza dra Daniela Polasika jest ukierunkowana na analizę polimorfizmu DNA przede wszystkim u gatunku świni domowej (*Sus scrofa f. domestica*). Dodatkowo w obszarze badań prowadzonych przez Habilitanta znajduje się detekcja i analiza zmienności genetycznej u koni, bydła, szynszyli i dzika europejskiego, oraz analiza filogenetyczna nicieni.

W głównym nurcie badań trzody chlewnej wyraźnie wyodrębniają się dwa zasadnicze zagadnienia dotyczące analizy asocjacji polimorfizmu genów z cechami użytkowości rozpłodowej knurów i loch, oraz jakości tuszy i mięsa tuczników. Wyniki dociekań naukowych z tego zakresu habilitant zawarł w 52 oryginalnych pracach twórczych, oraz doniesieniach konferencyjnych.

Dr inż. Daniel Polasik wykazał ważną naukowo i aplikacyjnie zależność jakości nasienia knurów w odniesieniu do polimorfizmu genów *ESR* i *GPX5*. Stwierdził, że w przypadku genu *ESR* samce o genotypie odpowiednio *AA*, oraz CC cechowały się najwyższą objętością ejakulatu, jak też liczbą i odsetkiem plemników żywych, natomiast te o genotypie *BB*, oraz *DD*

największą koncentracją plemników. Z kolei heterozygoty w locus *GPX5* (polimorfizm c.81+1896A/G) charakteryzowały się wyższymi wartościami analizowanych cech nasienia, oprócz koncentracji plemników.

Kolejny aspekt badań reprodukcji świń dotyczył analizy asocjacji pomiędzy polimorfizmem w loci *RYR1*(g.1843C/T), *FABGL, RBP4, GH, LEP, FSHB, FUT1, GPX5, PRLR* a cechami użytkowości rozpłodowej loch. Dzięki przeprowadzonym badaniom Habilitant wykazał, że za przydatne w konstruowaniu puli markerów dotyczących użytkowości rozpłodowej loch, a mogących mieć swoje zastosowanie w selekcji wspomaganej markerami (MAS), należy uznać geny: *FABGL, RBP4, GH, FUT1, GPX5, PRLR*. Generalnie odnotowano, że dla uzyskania wysokiej liczby prosiąt żywo urodzonych w mocie, oraz odchowanych do 21. dnia życia, najkorzystniej jest użytkować lochy o genotypie *FABGL/BbvI AA, RBP4/TaqI BB, GH/Msp*I m^+m^+, *FUT1/Hin*6I *GG, GPX5* (c.81+1896A/G) *AA, PRLR* (1789G/A; Gly597Ser) *AA*.

Istotny nurt badań prowadzonych przez Habilitanta dotyczył detekcji polimorfizmu wybranych genów w aspekcie asocjacji z cechami jakości mięsa i tuszy świń. W grupie analizowanych markerów znalazły się m.in.: *RYR1, LEP, CAST, PPARGC1A, IGF-1R, ACLY* i *PIRT*. W odniesieniu do locus *LEP* (polimorfizm 3469 T/C i 2728 G/A) zanotowano, że tuczniki o genotypie kombinowanym *TT/GG* charakteryzowały się mięsnością $\geq$ 57%, a tusze w 73,5% zaliczono do klasy S lub E w systemie EUROP. Analiza genotypów genów *IGF-1R, ACLY* i *PIRT* wykazała, że można je zaliczyć do puli markerów związanych z cechami jakości mięsa.

Są to istotne informacje naukowe, ale także ważne dla praktyki hodowlano-produkcyjnej, ponieważ wyniki reprodukcyjne stada podstawowego loch i knurów mają bezpośrednie przełożenie na opłacalność produkcji prosiąt i tuczników, co w obecnych, trudnych warunkach rynkowych jest czynnikiem priorytetowym. Natomiast jakość tuszy i mięsa jest podstawowym elementem warunkującym przydatność technologiczną, ale również popyt na wieprzowinę i jej przetwory na rynku konsumenckim. Ponadto należy podkreślić, że badania i analizy dotyczyły polskich ras i linii świń, co doskonale uzupełnia pulę informacji naukowych, nadal stosunkowo ubogą w porównaniu do posiadanej przez inne kraje o wysokiej kulturze hodowlanej.

Habilitant uczestniczył także w badaniach detekcji i analizy zmienności markerów genetycznych innych gatunków zwierząt. Zespół, w którym pracował wykrył 4 funkcjonalne SNPy w genomie szynszyli i zaprojektował testy, oparte na PCR, pozwalające na analizę polimorfizmu. Wykazano, że u szynszyli hodowanych w zamkniętym cyklu występował tylko 1 allel w odniesieniu do polimorfizmu 135G/C. Natomiast stado utrzymywane w otwartym cyklu hodowlanym cechowało się wyższym współczynnikiem średniej heterozygotyczności. Na podstawie uzyskanych wyników badań zespół autorów przedstawił ważną hipotezę dotyczącą karłowatości szynszyli.

W badaniach genetycznych koni Habilitant brał udział w działaniach zmierzających do detekcji polimorfizmu we fragmentach genów *ACTA1, PPARGC1A, MSTN*, co zostało w pełni zrealizowane, gdyż wykryto SNPy w tych loci. W kolejnym etapie badań zaprojektowano testy oparte na metodach PCR-RFLP i ACRS-PCR, pozwalające na szybkie i wiarygodne genotypowanie koni należących do różnych ras i typów użytkowych, co należy podkreślić jako ważne osiągnięcie w karierze naukowej habilitanta.

Habilitant zajmował się również poszukiwaniem markerów genetycznych związanych z cechami użytkowości mlecznej krów. Głównym obiektem badań był gen *IGF-1* wchodzący w skład osi somatotropowej, a jego polimorfizm okazał się istotnie związany z wydajnością mleczną, oraz wskaźnikiem LKS w mleku.

Kandydat uczestniczył także w badaniach mających na celu określenie zależności pomiędzy polimorfizmem genu *GPX5* (c.81+1896A/G) u dzików a poziomem selenu w nerkach i wątrobie. W wyniku przeprowadzonych analiz udowodniono, że zwierzęta o genotypie *AA* charakteryzowały się znacznie wyższą koncentracją selenu w obu narządach w stosunku do zwierząt o genotypach *GG* i *AG*. Przyjmując, że selen jest potrzebny do ochrony komórek przed wolnymi rodnikami czy toksynami są to ważne informacje, które można wykorzystać do monitoringu stanu zdrowia dzików.

Prowadzone przez dra Daniela Polasika badania filogenetyczne nicieni, pozwoliły na potwierdzenie odrębności gatunkowej *Amidostomoides monodon* i *Amidostomoides petrovi Amidostomum acutum*, oraz umieszczenie w bazie GenBank trzech nowych sekwencji (KJ186096.1; KJ186097.1; KJ186098.1).

W odniesieniu do działalności naukowo-badawczej należy podkreślić, że dr inż. Daniel Polasik jest rozpoznawalny w środowisku naukowym, czego dowodem jest powierzanie przez zagraniczne i krajowe redakcje czasopism naukowych recenzji oryginalnych prac twórczych zamieszczonych w: Animal Biotechnology, Annals of Animal Science, Iranian Journal of Applied Animal Science, Journal of Equine Veterinary Science, South African Journal of Animal Science, Saudi Journal of Biological Sciences, Electronic Journal of Polish Agricultural Universities.

Ocena działalności dydaktycznej, organizacyjnej i popularyzatorskiej

Dr inż. Daniel Polasik umiejętnie łączy pracę naukowo-badawczą z działalnością dydaktyczną i organizacyjną. Prowadzi wykłady i ćwiczenia z przedmiotów autorskich na 6 kierunkach studiów. O tym, że jest cenionym dydaktykiem świadczą również wykłady wykonane w ramach programu Erasmus. Jego aktywny udział w kształceniu naukowym potwierdza fakt, że jest promotorem pomocniczym w przewodzie doktorskim, jak też opiekunem naukowym 31 prac dyplomowych (licencjackich – 4; inżynierskich – 12; magisterskich – 15). Wyrazem wysokiego poziomu naukowego i dydaktycznego Habilitanta jest również to, iż 11-krotnie był powołany na opiekuna naukowego stażystów z Polski, Szwajcarii, Niemiec, Korei Południowej, Wietnamu, Kolumbii, Ghany, Indii, Szwajcarii i Turcji. W latach 2013-2014 był również opiekunem Studenckiego Koła Naukowego Genetyków Zwierząt, a od roku 2008 do 2018 był dwukrotnie powoływany na opiekuna roku kierunku biotechnologia.

Kandydat wykazuje duże zaangażowanie w działalność organizacyjną na macierzystym Wydziale, pełniąc m.in. funkcję Pełnomocnika Dziekana ds. Współpracy Dydaktycznej z Zagranicą, Wydziałowego Koordynatora ECTS, członka Wydziałowej Komisji ds. oceny wniosków dydaktycznych LLP Erasmus/Erasmus+ (STA), członka Rady Wydziału Biotechnologii i Hodowli Zwierząt, Wydziałowego Koordynatora programu IAESTE; członka Komisji ds. Kształcenia, członka Wydziałowej Komisji Akredytacyjnej dla kierunków biotechnologia i zootechnika. Ponadto brał udział w organizacji 6 konferencji.

Za działalność organizacyjną i naukową Kandydat był trzykrotnie nagradzany przez władze Uczelni.

Dr inż. Daniel Polasik odznacza się działalnością popularyzatorską, czego wyrazem jest prezentacja w formie referatów i posterów wyników prowadzonych badań na 3 konferencjach zagranicznych, 7 o zasięgu międzynarodowym i 17 krajowych. Bierze również udział w warsztatach i stażach naukowych dla studentów studiów I, II i III stopnia wygłaszając prelekcje z zakresu działalności naukowo-badawczej jaką prowadzi. Jest także współautorem 2 publikacji popularno-naukowych. Na podkreślenie zasługuje jego aktywna współpraca z krajowymi jednostkami branżowymi, w tym hodowlanymi, a także instytucjami naukowymi zajmującymi się praktycznym aspektem hodowli, jak IZ PIB w Balicach.

W mojej opinii dr inż. Daniel Polasik skutecznie i na wysokim poziomie realizuje swoje zadania, zarówno jako nauczyciel akademicki, jak też pracownik Zachodniopomorskiego Uniwersytetu Technologicznego w Szczecinie.

Podsumowanie i wniosek końcowy

Biorąc pod uwagę szczególne osiągnięcie naukowe jakim jest cykl czterech oryginalnych prac twórczych pod wspólnym tytułem „Analiza zależności pomiędzy polimorfizmem wybranych genów a cechami tucznymi, rzeźnymi i jakością mięsa świń", wzrost aktywności naukowej i publikacyjnej po uzyskaniu stopnia doktora, oraz dorobek dydaktyczny, organizacyjny i popularyzatorski stwierdzam, że dr inż. Daniel Polasik spełnia wymagania określone w Ustawie z dnia 14 marca 2003 roku i stopniach naukowych i tytule naukowym, oraz o stopniach i tytule w zakresie sztuki (Dz.U. z 2017, poz. 1789) w związku z art. 179 ust.1 ustawy z dnia 3 lipca 2018 r. przepisy wprowadzające ustawę – prawo o szkolnictwie wyższym i nauce (Dz.U. z 30 sierpnia 2018 r. poz. 1669), oraz w Rozporządzeniu Ministra Nauki i Szkolnictwa Wyższego z dnia 1 września 2011 roku w sprawie kryteriów oceny osiągnięć osoby ubiegającej się o nadanie stopnia doktora habilitowanego (Dz. U. Nr 196, poz. 1165), uwzględniając rozporządzenie MNiSW z dnia 19 stycznia 2018 r. w sprawie szczegółowego trybu i warunków przeprowadzenia czynności w przewodach doktorskich, postepowaniu habilitacyjnym, oraz w postepowaniu o nadanie tytułu profesora (DZ. U. z 2017 r. poz. 261).

Na tej podstawie wnoszę o dopuszczenie dr inż. Daniela Polasika do dalszych etapów postępowania habilitacyjnego.

Lublin 05.06.2018.

Marek Bohr